



ESTUDIO DE LA MICROBIOTA INTESTINAL HUMANA EN POBLACIÓN SUDAMERICANA: REVISIÓN SISTEMÁTICA DE ENFOQUES METODOLÓGICOS

ID 1378

Constanza López¹, Jean Pereira², Catalina González², Flavia Ñique², Marcell Leonario-Rodriguez¹.

(1) Escuela de Nutrición y Dietética, Facultad de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad Mayor, Chile.
(2) Academia Científica de Estudiantes de Nutrición y Dietética (ACENUM), Facultad de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad Mayor, Chile



UNIVERSIDAD MAYOR
FACULTAD DE MEDICINA Y CIENCIAS DE LA SALUD
Escuela de Nutrición y Dietética

Introducción

La microbiota intestinal (MI) es un conjunto de microorganismos que habita el intestino y desempeña funciones importantes en la digestión, el sistema inmune y el metabolismo. Su composición puede variar según factores geográficos, genéticos, dietarios y socioculturales. Sin embargo, la mayoría de los estudios sobre la MI se han realizado en países de altos ingresos, por lo que hay poca información sobre Sudamérica. Esto dificulta comparar resultados entre regiones y crear estrategias adaptadas a cada contexto. Este trabajo busca identificar patrones comunes en la MI de la región para guiar futuras investigaciones y mejorar la comprensión de su papel en la salud en Sudamérica.

Materiales y Métodos



REVISIÓN SISTEMÁTICA



4 BUSCADORES INDEPENDIENTES + 1 REVISOR



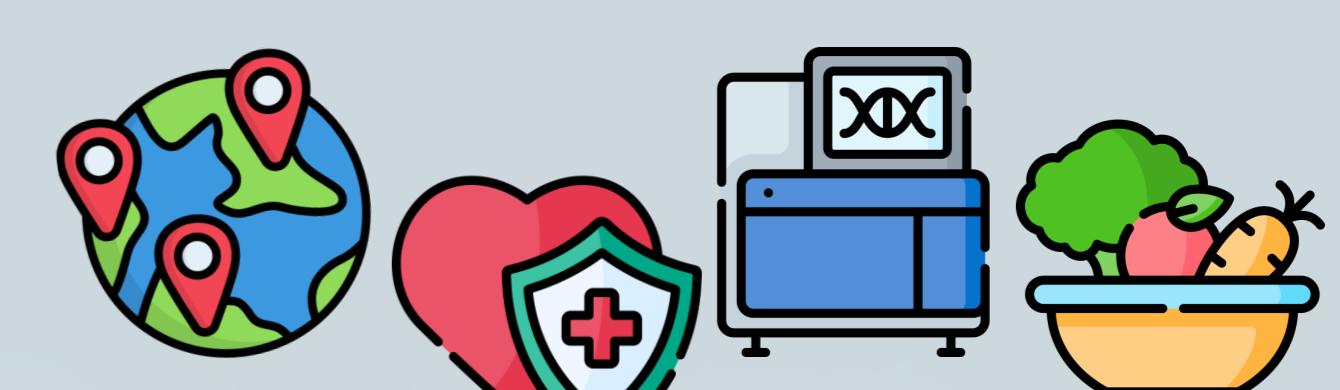
BASES DE DATOS (n=3)



I SEMESTRE 2025

"gastrointestinal microbiome"
"gut microbiota"
"gut microbiome"
"intestinal microbiota"
"intestinal microbiome"

KEYWORDS



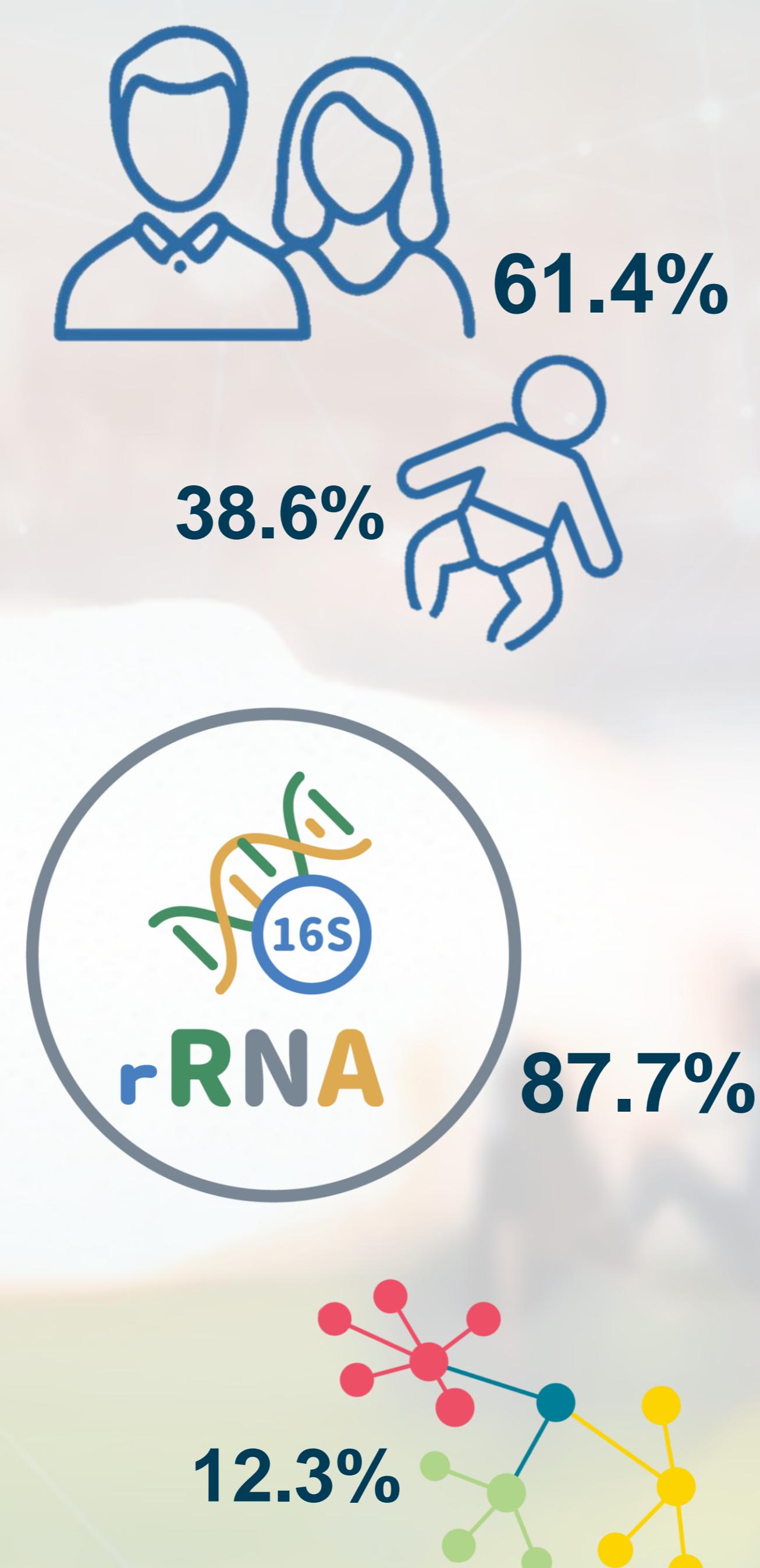
VARIABLES ANALIZADAS

Resultados

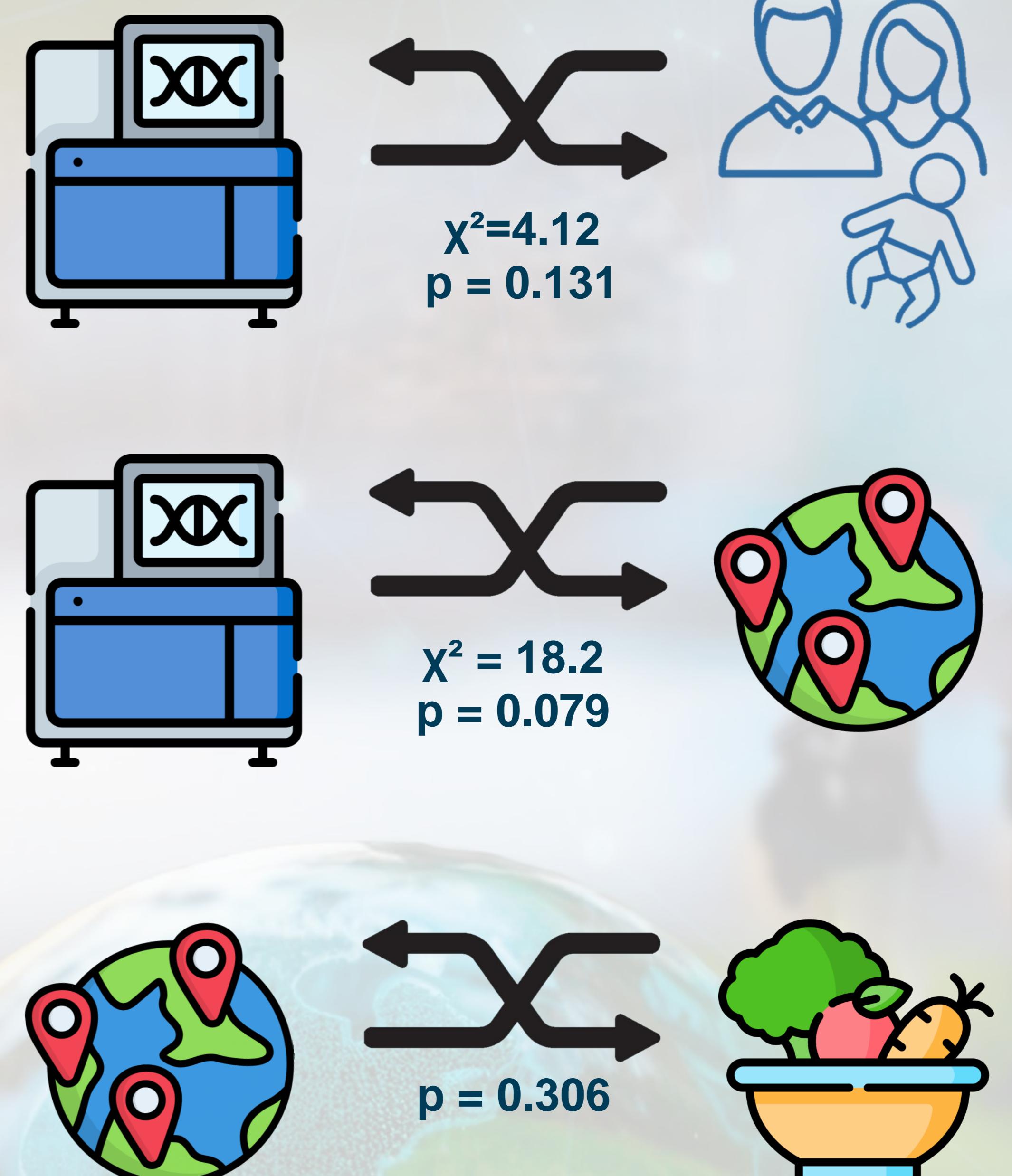


Figura 1. Representación geográfica de los estudios de composición de MI. En barra lateral se indica la concentración por cada localidad.

Características de los estudios



Análisis de variables



Conclusión

La caracterización de la microbiota intestinal en Sudamérica evidencia desigualdades geográficas y metodológicas, dado que predominan los estudios en poblaciones brasileñas y colombianas, con amplia utilización de 16S rRNA. La introducción paulatina de metagenómica no ha alcanzado significancia estadística en su distribución, pero apunta a disparidades en capacidad tecnológica. Investigaciones a futuro deberían estandarizar protocolos y fomentar consorcios regionales para mejorar comparabilidad y cobertura poblacional.

Referencias

- Fujio-Vejar S, Vasquez Y, Morales P, Magne F, Vera-Wolf P, Ugalde JA, Navarrete P, Gotteland M. The Gut Microbiota of Healthy Chilean Subjects Reveals a High Abundance of the Phylum Verrucomicrobia. *Front Microbiol.* 2017; 30:8:1221.
Valderrama, B., Calderón-Romero, P., Bastiaanssen, TFS et al. El Archivo del Microbioma Sudamericano (saMBA): enriqueciendo el campo del microbioma mediante el estudio de poblaciones desatendidas. *Nat Commun* 16, 7371 (2025).

ORGANIZAN



AUSPICIAN

